

教育经历

| | |
|-----------------------------|-------------|
| 华东师范大学 生物化学与分子生物学 博士 | 2012 - 2017 |
| 南京航空航天大学 电气工程与自动化系 学士 | 2008 - 2012 |

主要研究方向

生物信息学

开发了国际首个一站式蛋白质组数据分析云系统Firmiana（梧桐树），方便了无生物信息学基础的科研人员使用。

Firmiana支持包括来自Thermo, ABSciex, Agilent等不同厂商的质谱原始数据格式，整合了多种现有的蛋白质组学分析工具(ProteoWizard, Mascot, X!Tandem, InterProphet等等)，开发了多种定量和质量控制算法，并提供了多种生物信息学分析（聚类分析，差异蛋白分析，通路富集分析等）以及数据挖掘功能。Firmiana平台所提供的数十种在线的生物信息学工具有很好的兼容性、持续可开发性和易用性，无生物信息学基础的科研人员也可以无障碍的使用。截止到2017年10月，Firmiana已存储并处理了来自十一个物种的超过7000份实验数据。

发表文章

Feng, J., Ding, C., Qiu, N., Ni, X., Zhan, D., Liu, W., ... & Nie, P.(2017). Firmiana: towards a one-stop proteomic cloud platform for dataprocessing and analysis. *Nature biotechnology*, 35(5), 409.

Zhou, Q., Liu, M., Xia, X., Gong, T., Feng, J., Liu, W., ... & Qin, J.(2017). A mouse tissue transcription factor atlas. *Nature Communications*, 8.